

ПАЦИЕНТ: АРНАУТ ДМИТРИЙ ВЛАДИМИРОВИЧ

ЗАКАЗЧИК: ДЦ Кругликовский

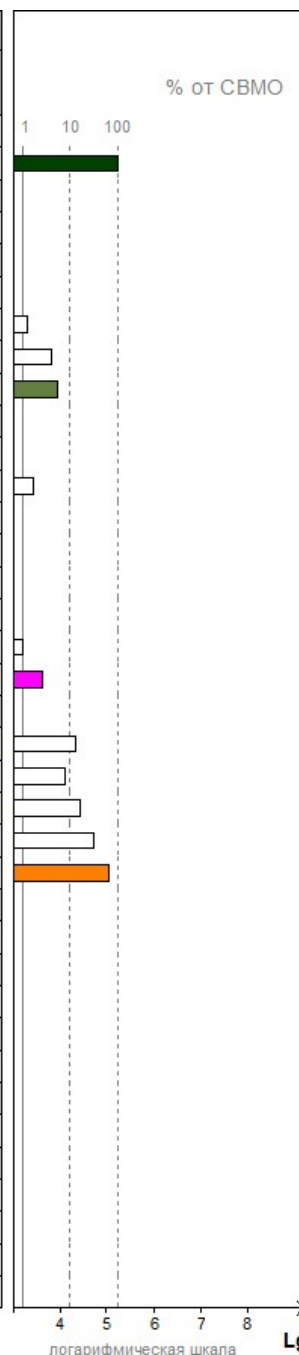
ЗАКАЗ №: 26865-B7DA1-00057753

ИССЛЕДОВАНИЕ: АНДРОФЛОР ДНК

ЗАРЕГИСТРИРОВАН: 18.12.2023 12:37

БИОМАТЕРИАЛ: Соскоб уrogenитальный (ПЦР)

№	Название исследования	Результат		
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)	
	Геномная ДНК человека	10 ^{5.8}		
1	Общая бактериальная масса	10 ^{5.2}		
Транзиторная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	не выявлено		
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	не выявлено		
4	Streptococcus spp.	10 ^{3.3}	-1.9 (1.1-1.4%)	
5	Corynebacterium spp.	10 ^{3.8}	-1.4 (3-5%)	
	Сумма: Нормофлора	10 ^{3.9}	-1.3 (4-6%)	
УПМ, ассоциированные с баквагинозом				
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено		
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	10 ^{3.4}	-1.8 (1.3-1.8%)	
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено		
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено		
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено		
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено		
12	Atopobium cluster	10 ^{3.2}	-2.0 (0.8-1.1%)	
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	10 ^{3.6}	-1.6 (2.2-3.0%)	
УПМ анаэробы				
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	10 ^{4.3}	-0.9 (11-14%)	
14	Anaerococcus spp.	10 ^{4.1}	-1.1 (7-9%)	
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	10 ^{4.4}	-0.8 (13-18%)	
16	Eubacterium spp.	10 ^{4.7}	-0.5 (27-36%)	
	Сумма: УПМ анаэробы	10 ^{5.0}	-0.2 (58-78%)	
УПМ Haemophilus spp.				
17	Haemophilus spp.	не выявлено		
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.				
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено		
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено		
Дрожжевые грибы				
20	Candida spp. *	ниже ПЗ ***		
Патогены				
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено		
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено		
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено		
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено		



* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

Candida spp. ниже порогового значения.

Структура бактериального микробиома не соответствует норме: баланс нормальной и условно-патогенной микрофлоры значительно нарушен (преобладают условно-патогенные анаэробные микроорганизмы).



Руководитель Лабораторного комплекса _____ /Л. В. Болотина/

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса – ОБМ), нормофлоры и условно - патогенных микроорганизмов; Термин “УМП, ассоциированные с баквагинозом” используют для обозначения группы микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ ($Lg10$) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микроплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при $OБМ > 10^5$.

Для удобства трактовки результатов в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

Нормофлора:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

УМП и дрожжеподобные грибы:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.