

ФИО пациента: **КОЛЧЕРИН ГРИГОРИЙ ИВАНОВИЧ**

Индивидуальный номер:  2838208

Пол: МУЖСКОЙ

Дата рождения: 29/08/1985

Референсная группа: Муж



№ заказа 506232383

Заказчик: 30999.000 "МЕДИКАЛ ПЛЮС"

**РЕЗУЛЬТАТЫ ИССЛЕДОВАНИЯ**

Исследование	Результат	Единицы измерения	Референсный интервал
<b>Биоматериал:</b> Эякулят (сперма)	<b>Дата взятия:</b> 30/04/2021 08:4 <b>Дата доставки:</b> 30/04/2021 17:46		
<i>Аналитическая система: Детектирующий амплификатор ДТ-96, ДНК-Технология, Россия</i>			
<i>Аналитическая чувствительность тест-системы: 1000 копий/мл</i>			
<i>Аналитическая специфичность тест-системы: 98%</i>			
<i>A26.21.036.001.14 Андрофлор: определение ДНК возбудителей инфекций, передаваемых половым путем в эякулате методом ПЦР</i>			
<b>Андрофлор (сперма)</b>	см. вложенный файл		


Исполнители: Хайрутдинова Л. И.



Директор по производству  
Р.А. Гулиев



Заведующая лабораторией.  
Врач клинической лабораторной диагностики  
Е.С. Герасимова



Дата выдачи отчета: 02/05/2021

Интерпретация результатов не является диагнозом, заключение по результатам данного исследования дает лечащий врач.

За последствия самостоятельной интерпретации результатов пациентом лаборатория ответственности не несет.

Полученные результаты относятся к конкретной исследуемой пробе.

Указанные услуги соответствуют номенклатуре медицинских услуг, утвержденной Приказом МЗ РФ № 804н от 13 октября 2017 года.

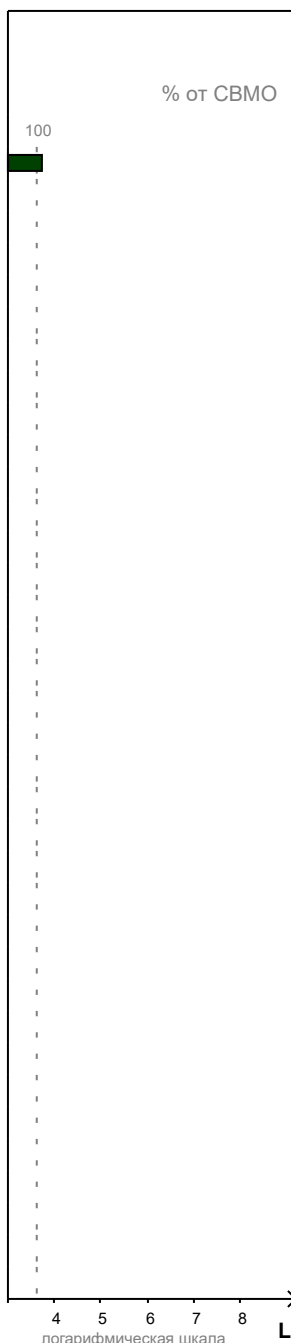
## Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

**Андрофлор®\_А**

Дата: 2 Май 2021, 7:02:32  
 Номер пробирки: 506232383833  
 Ф.И.О. пациента: КОЛЧЕРИН ГРИГОРИЙ ИВАНОВИЧ  
 Пол: мужской  
 Возраст: 35  
 Организация:  
 Врач:  
 Примечание:

Идентификатор образца: 6689

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)
	Геномная ДНК человека	10 4.8	<input type="checkbox"/>
1	Общая бактериальная масса	10 3.7	<input type="checkbox"/>
Транзиторная микрофлора			
2	<i>Lactobacillus</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Нормофлора			
3	<i>Staphylococcus</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
4	<i>Streptococcus</i> spp.	10 3.5	<input type="checkbox"/>
5	<i>Corynebacterium</i> spp.	10 3.7	<input type="checkbox"/>
	Сумма: Нормофлора	10 3.9	<input type="checkbox"/>
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	<i>Gardnerella vaginalis</i>	не выявлено	<input type="checkbox"/>
7	<i>Megasphaera</i> spp. / <i>Veillonella</i> spp. / <i>Dialister</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
8	<i>Sneathia</i> spp. / <i>Leptotrichia</i> spp. / <i>Fusobacterium</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
9	<i>Ureaplasma urealyticum</i> *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
10	<i>Ureaplasma parvum</i> *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
11	<i>Mycoplasma hominis</i> *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
12	<i>Atopobium</i> cluster	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ анаэробы			
13	<i>Bacteroides</i> spp. / <i>Porphyromonas</i> spp. / <i>Prevotella</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
14	<i>Anaerococcus</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
15	<i>Peptostreptococcus</i> spp. / <i>Parvimonas</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
16	<i>Eubacterium</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ анаэробы	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ <i>Haemophilus</i> spp.			
17	<i>Haemophilus</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ <i>Pseudomonas aeruginosa</i> / <i>Ralstonia</i> spp. / <i>Burkholderia</i> spp.			
18	<i>Pseudomonas aeruginosa</i> / <i>Ralstonia</i> spp. / <i>Burkholderia</i> spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ <i>Enterobacteriaceae</i> spp. / <i>Enterococcus</i> spp.			
19	<i>Enterobacteriaceae</i> spp. / <i>Enterococcus</i> spp.	10 3.1	<input type="checkbox"/>
Дрожжеподобные грибы			
20	<i>Candida</i> spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Патогены			
21	<i>Mycoplasma genitalium</i> **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
22	<i>Trichomonas vaginalis</i> **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
23	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
24	<i>Chlamydia trachomatis</i> **	не выявлено	<input type="checkbox"/>



\* Абсолютный анализ Lg(X)

\*\* Качественный анализ

**Заключение**  
**НОРМОЦЕНОЗ.**

# Исследование микрофлоры уrogenитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор®Скрин

## Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии уrogenитальных заболеваний у мужчин\*.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности уrogenитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ > 10<sup>5</sup>.

Для удобства трактовки результатов\*\* в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

**Контрольные показатели** (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

**Нормофлора:**

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

**УПМ и дрожжеподобные грибы:**

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

**Патогены:**

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

\* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. *Int J STD AIDS*, 2016 Oct;27(11):928-37.

\*\* более подробно алгоритм трактовки результатов – на <http://www.dna-technology.ru>.