

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

Андрофлор®_А

ЗьМ

ПОЛ: Муж
 Возраст: 31 год
 ИНЗ: 416438795
 Дата взятия образца: 08.09.2021 14:45
 Дата печати результата: 10.09.2021 19:15

ООО "Международный медицинский центр Медикал он
 Груп-Балашиха"

Балашиха, ул. Советская, д.42

№	Название исследования	Результат		% от СВМО
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)	
	Геномная ДНК человека	10 5.4	<input type="checkbox"/>	
1	Общая бактериальная масса	10 4.1	<input type="checkbox"/>	
Транзиторная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	10 3.4	-0.7 (17-23%)	■
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	не выявлено		
4	Streptococcus spp.	не выявлено		
5	Corynebacterium spp.	не выявлено		
	Сумма: Нормофлора	не выявлено		■
УГМ, ассоциированные с баквагинозом				
6	Gardnerella vaginalis	10 4.0	-0.1 (68-91%)	■
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
12	Atopobium cluster	не выявлено		<input type="checkbox"/>
	Сумма: УГМ, ассоциированные с баквагинозом	10 4.0	-0.1 (68-91%)	■
УГМ анаэробы				
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
14	Anaerococcus spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
16	Eubacterium spp.	10 4.0	-0.1 (68-91%)	■
	Сумма: УГМ анаэробы	10 4.0	-0.1 (68-91%)	■
УГМ Haemophilus spp.				
17	Haemophilus spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
УГМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.				
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
УГМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено		<input type="checkbox"/>
Дрожжевые грибы				
20	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Патогены				
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	

* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

4 5 6 7 8 Lg
логарифмическая шкала

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

ДНК дрожжевых грибов Candida spp. не выявлена.

Превышение пороговых значений транзиторной микрофлоры. Транзиторная микрофлора может быть причиной острых воспалительных процессов нижних отделов урогенитального тракта. Соблюдение правил подготовки пациента и методики взятия биоматериала влияют на результат исследования. По решению врача возможно повторное взятие биоматериала и выполнение исследования.

Исследование микрофлоры уrogenитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии уrogenитальных заболеваний у мужчин*.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности уrogenитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, *Lactobacillus* spp.):



- соответствие критериям



- не соответствие критериям

Нормофлора:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:



- не выявлено



- обнаружено

Дополнительно, с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. *Int J STD AIDS*, 2016 Oct;27(11):928-37.

** более подробно алгоритм трактовки результатов представлен на <http://www.dna-technology.ru>.